

Relatório Técnico de COVID – LACEN - Mato Grosso (MT) - 2022

1. Objetivo

Apresentar os resultados de vigilância genômica de covid das amostras do LACEN – Mato Grosso das semanas epidemiológicas 26^a e 27^a, 29^a, 46^a a 49^a de 2022.

2. Informações primárias

Parceiro: LACEN – Mato Grosso

Semanas Epidemiológicas: 26^a e 27^a, 29^a, 46^a a 49^a de 2022.

Quantidade de amostras recebidas: 16 amostras

Quantidade de amostras processadas: 16 amostras

3. Timeline de processamento

Coleta e Diagnóstico (equipe – MT)

Metadados e Recebimento das amostras (equipe – MT e Instituto Butantan)

Extração (equipe - Instituto Butantan)

Sequenciamento (equipe - Instituto Butantan)

Montagem (equipe - Instituto Butantan)

Elaboração do relatório (equipe - Instituto Butantan)

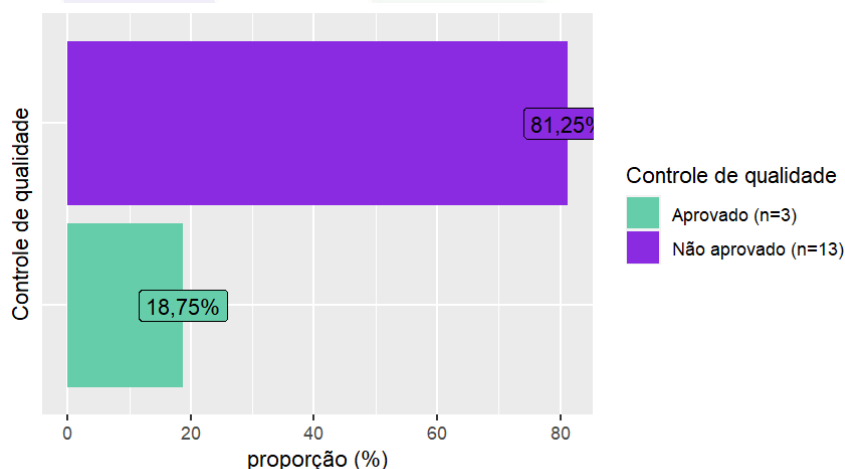
4. Pontos de interesse:

- 18,8% das amostras foram aprovadas no controle de qualidade.
- A variante identificada foi a Omicron (100%).
- As subvariantes foram BA.2, BA.5.1, BA.5.2.1.

5. Gráficos dos principais resultados

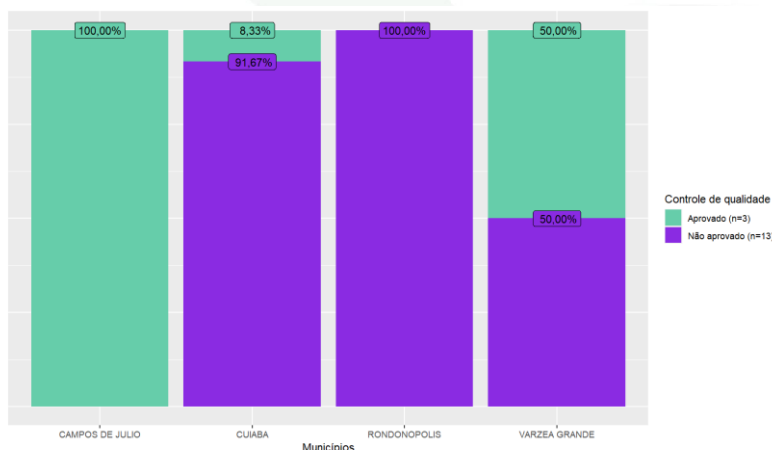
Do total de 16 amostras analisadas, 3 (18,8%) foram aprovadas pela metodologia do controle de qualidade (Gráficos 1).

Gráfico 1 - Frequências absolutas e relativas das amostras sequenciadas de Covid - controle de qualidade. MT, 2022. (n=16 amostras)



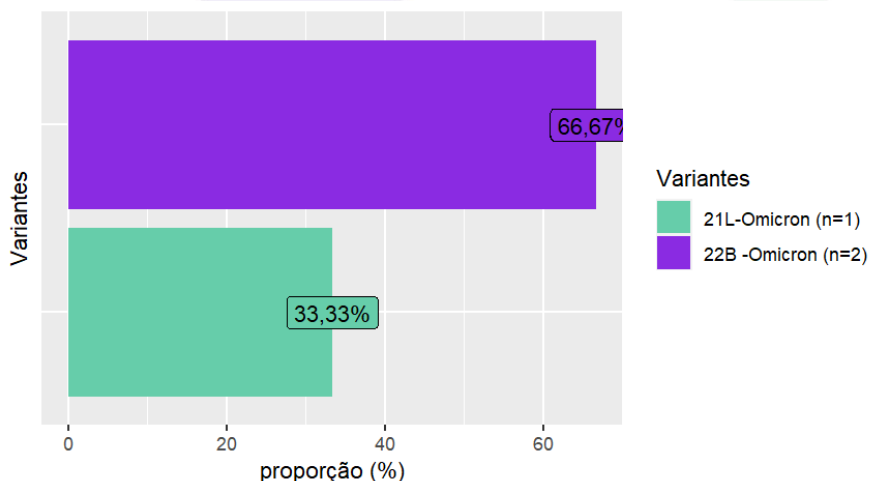
Nos Gráficos 2, observa-se a distribuição das amostras aprovadas e não aprovadas na metodologia do controle de qualidade, por Município. O município que mais enviou amostras foi Cuiabá, com 12 amostras enviadas e 1 amostra aprovada.

Gráfico 2 - Frequências relativas da distribuição das amostras sequenciadas de Covid - controle de qualidade, por município. MT, 2022. (n=16 amostras)



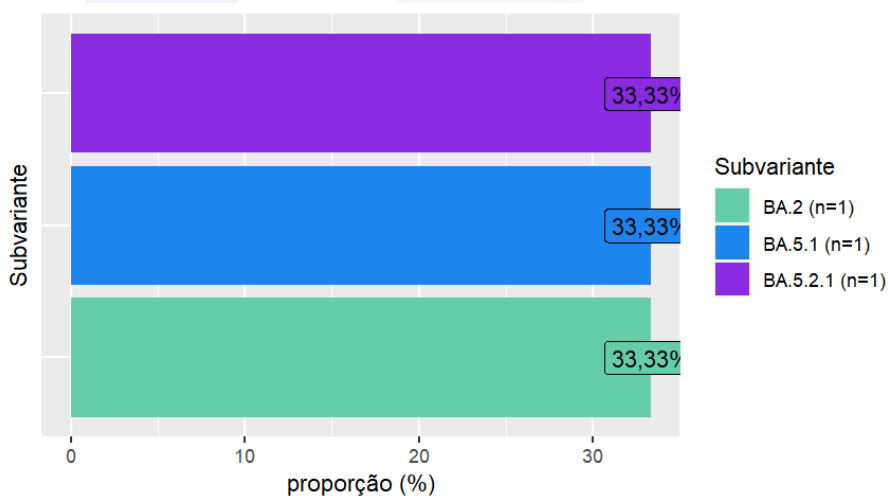
Nas 3 amostras sequenciadas em 2022, apenas a VOC Ômicron foi identificada no período analisado (Gráfico 3).

Gráfico 3 - Frequência absoluta e relativa da tipagem das amostras sequenciadas de Covid. MT, 2022. (n=3 amostras)



As subvariantes identificadas foram BA.2, BA.5.1, BA.5.2.1 (Gráficos 4).

Gráfico 4 - Frequência relativa das subvariantes das amostras sequenciadas de Covid. MT, 2022. (n=3 amostras)



Nome responsável/Cargo	Data	Versão
Elaboração: Dra. Claudia Barros - Epidemiologista	22.08.23	01

Relatório Técnico Influenza – LACEN - Mato Grosso (MT) - 2023

1. Objetivo

Apresentar os resultados de vigilância genômica de influenza das amostras do LACEN - Mato Grosso das semanas epidemiológicas 14^a a 20^a de 2023.

2. Informações primárias

Parceiro: LACEN – Mato Grosso

Semanas Epidemiológicas: 14^a a 20^a de 2023.

Quantidade de amostras recebidas: 40 amostras

Quantidade de amostras processadas: 40 amostras que tinham Ct menor que 31.

3. Timeline de processamento

Coleta e Diagnóstico (equipe – MT)

Metadados e Recebimento das amostras (equipe – MT e Instituto Butantan)

Extração (equipe - Instituto Butantan)

Sequenciamento (equipe - Instituto Butantan)

Montagem (equipe - Instituto Butantan)

Elaboração do relatório (equipe - Instituto Butantan)

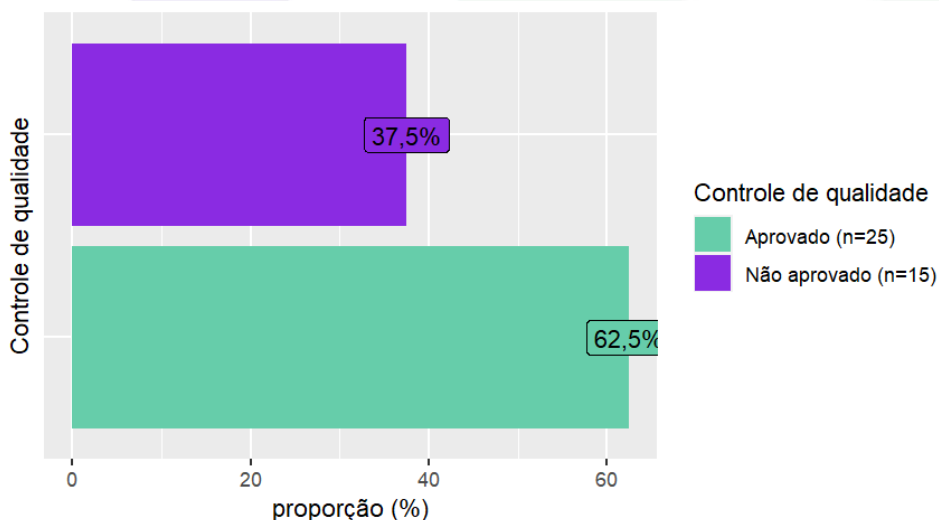
4. Pontos de interesse:

- 62,5% das amostras foram aprovadas no controle de qualidade.
- 100% da amostra foi identificada como Influenza tipo A
- O subtipo da influenza tipo A foi H1N1 (100%).

5. Gráficos dos principais resultados

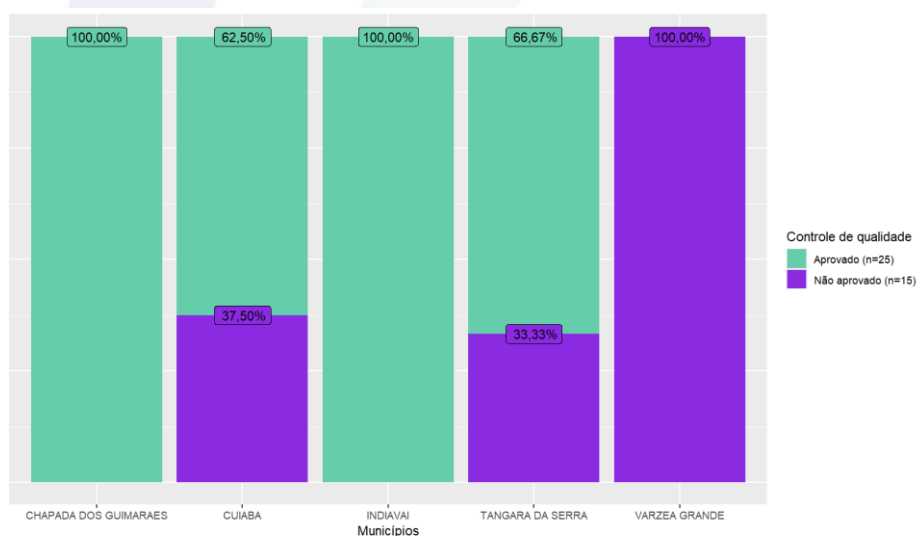
Do total de 40 amostras analisadas, 25 (62,5%) foram aprovadas pela metodologia do controle de qualidade (Gráfico 1).

Gráfico 1 - Frequências absolutas e relativas das amostras sequenciadas de Influenza - controle de qualidade. MT, 2023. (n=40 amostras)



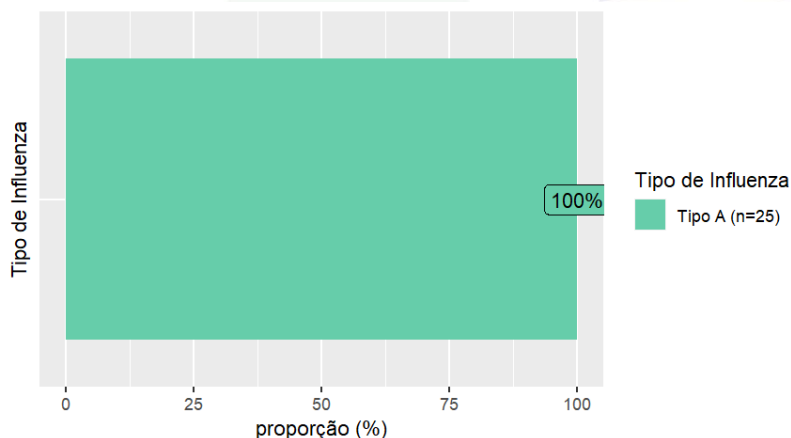
No Gráfico 2, observa-se a distribuição das amostras aprovadas e não aprovadas na metodologia do controle de qualidade, por Município. O município que mais enviou amostras foi Cuiabá, com 32 amostras enviadas e 62,5% de aprovação.

Gráfico 2 - Frequências relativas da distribuição das amostras sequenciadas de Influenza - controle de qualidade, por município. MT, 2023. (n=40 amostras)



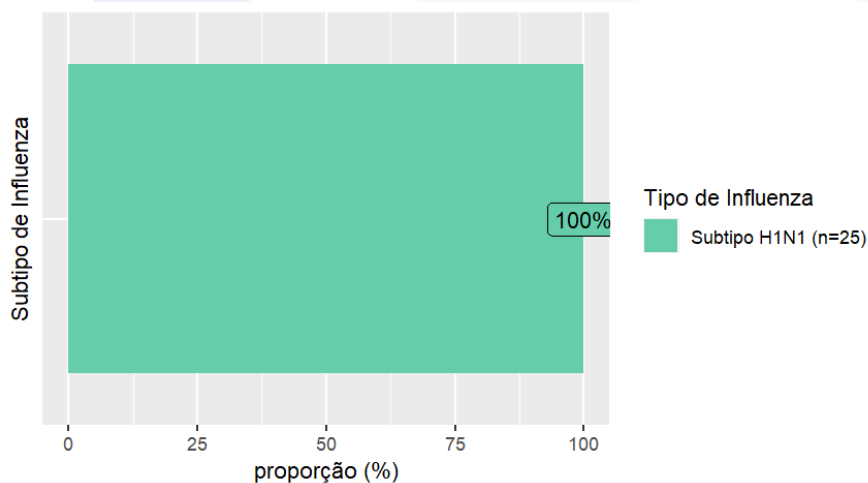
Das amostras sequenciadas em 2023, 100% foram identificadas como Influenza tipo A (Gráfico 3).

Gráfico 3 - Frequência absoluta e relativa da tipagem das amostras sequenciadas de Influenza. MT, 2023. (n=25 amostras)



O subtipo identificado na Influenza tipo A foi 100% de H1N1 (Gráfico 4).

Gráfico 4 - Frequência relativa do subtipo das amostras sequenciadas de Influenza tipo A. MT, 2023. (n=25 amostras)



Nome responsável/Cargo	Data	Versão
Elaboração: Dra. Claudia Barros - Epidemiologista	22.08.23	01

Relatório Técnico Dengue – Lacen Mato Grosso de 2023

1. Objetivo

Apresentar os resultados de vigilância genômica de Dengue das amostras do Lacen Mato Grosso (MT) nas semanas epidemiológicas 4^a, 9^a, 11^a a 13^a, 17^a a 20^a de 2023.

2. Informações primárias

Parceiro: Lacen Mato Grosso

Semanas Epidemiológicas: 4^a, 9^a, 11^a a 13^a, 17^a a 20^a de 2023.

Quantidade de amostras recebidas: 41 amostras

Quantidade de amostras processadas: 41 amostras

3. Timeline de processamento

Coleta e Diagnóstico (equipe - Lacen MT)

Metadados e Recebimento das amostras (equipe - Lacen MT e Instituto Butantan)

Extração (equipe - Lacen MT)

Sequenciamento (equipe - Lacen MT)

Montagem (equipe - Lacen MT)

Elaboração do relatório (equipe - Instituto Butantan)

4. Pontos de interesse:

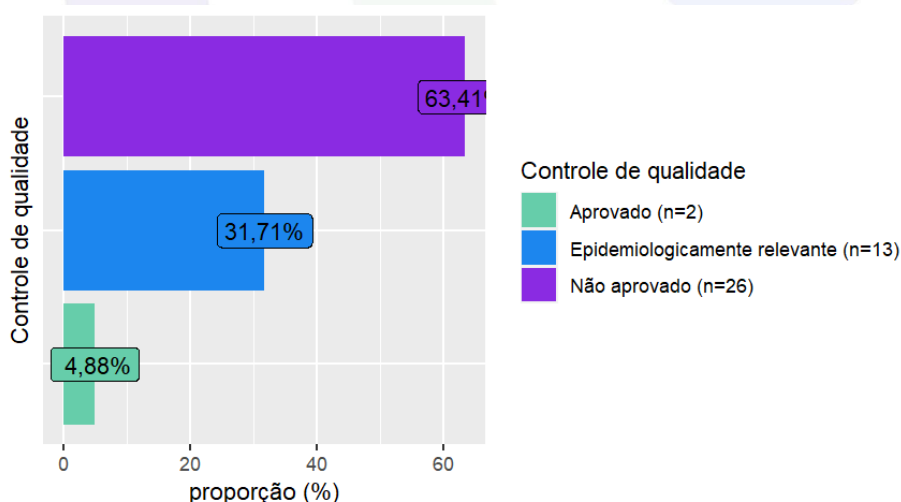
- 36,6% das amostras foram aprovadas no controle de qualidade ou classificadas como epidemiologicamente relevantes

- Todas as amostras foram identificadas com sorotipo Dengue 1;
- Os genótipos identificados foram do tipo V.

5. Gráficos dos principais resultados

Do total de amostras analisadas (n=41), 2 (4,88%) das amostras foram aprovadas pela metodologia do controle de qualidade e 13 (31,71%) foram classificadas como epidemiologicamente relevantes (Gráfico 1).

Gráfico 1 - Frequências absolutas e relativas das amostras sequenciadas de Dengue - controle de qualidade. Lacen Mato Grosso, 2023. (n=41 amostras)



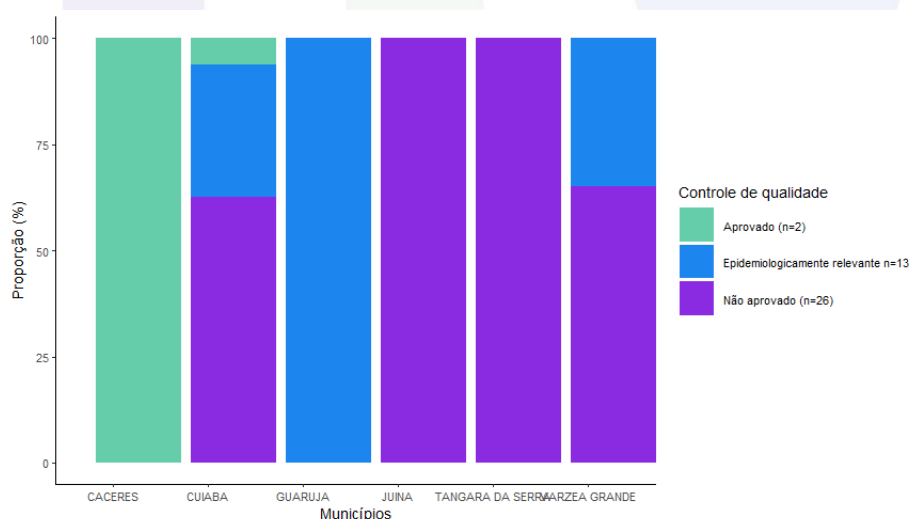
***Aprovado** - Há, pelo menos, 85% do genoma montado.

***Epidemiologicamente relevante** - Foi obtido (aproximadamente) 60% da sequência do gene da proteína do envelope. Essa checagem ocorre quando há menos de 85% do genoma montado.

***Não aprovado** - Não obedece a nenhum dos critérios acima. Ou seja, não possui 85% do genoma montado nem (aproximadamente) 60% da sequência do gene da proteína do envelope.

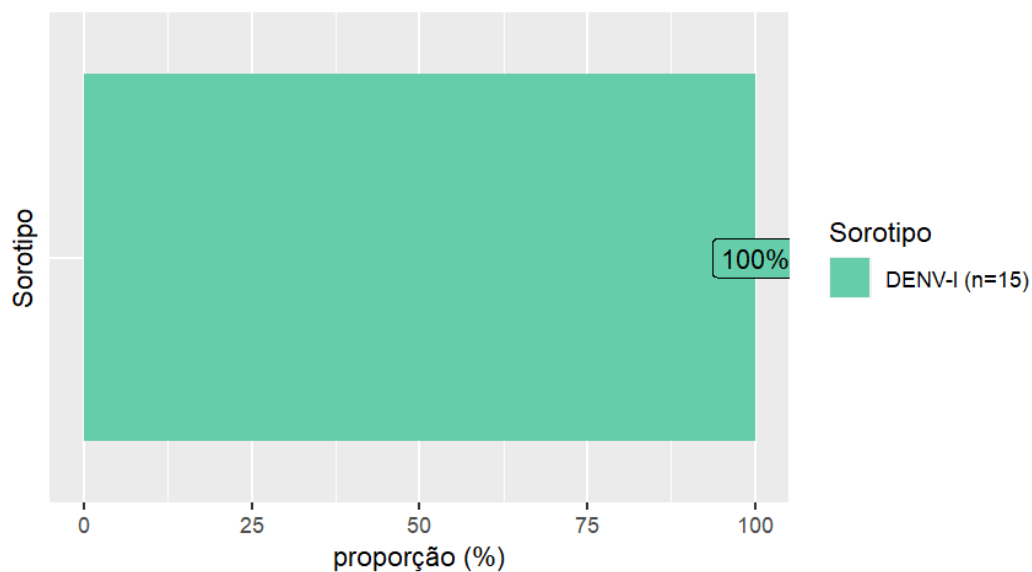
No Gráfico 2, observa-se a distribuição de amostras aprovadas e epidemiologicamente relevantes na metodologia do controle de qualidade, por município. Os municípios que mais enviaram amostras foram: Várzea Grande com 20 amostras enviadas e 35% de resultado epidemiologicamente relevante, seguida de Cuiabá com 16 amostras enviadas e 37,5% de amostras aprovadas ou epidemiologicamente relevante.

Gráfico 2 - Frequências relativas da distribuição das amostras sequenciadas de Dengue - controle de qualidade, por município. Lacen Mato Grosso, 2023.
(n=41 amostras)



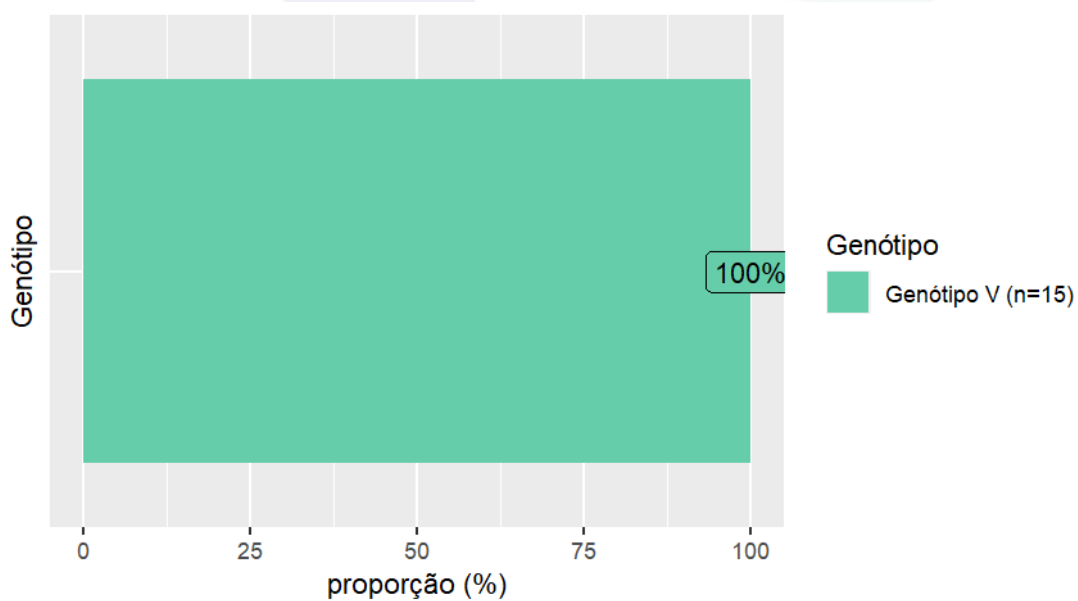
Das amostras sequenciadas, todas foram identificadas com sorotipo Dengue 1 (Gráfico 3).

Gráfico 3 – Frequência absoluta e relativa do sorotipo das amostras sequenciadas de Dengue. Lacen Mato Grosso, 2023. (n=15 amostras)



O genótipo da Dengue 1 identificado foi exclusivamente o V (Gráficos 4).

Gráfico 7 - Frequência absoluta e relativa do genótipo das amostras sequenciadas de Dengue 1. Lacen Mato Grosso, 2023. (n=15 amostras)



Nome responsável/Cargo	Data	Versão
Elaboração: Dra. Claudia Barros – Epidemiologista	21/08/2023	01